

学術論文	<ul style="list-style-type: none"> ・ 論文（査読のあるもの。学会などの抄録などは除く） ・ <u>本学学生が著者に含まれているものは赤字</u>で記載 ・ 2007 年以降（個別）と以前（2006 年までの合計）を分けて記載
学術業績	<p>1 Kuroda Y, Kato-Kogoe N, Tasaki E, Murata E, Ueda K, Abe M, <u>Miyamoto K</u>, Nakase I, Futaki S. Tohyama Y, Hirose M Oligopeptides derived from autophosphorylation sites of EGF receptor suppress EGF-stimulated responses in human lung carcinoma A549 cells: European Journal of Pharmacology, 698, 87-94, 2013</p> <p>2 <u>渡邊, 七里, 炬口, 宮本, 角山, 谷口. アレルギー性皮膚炎の治療薬—シコニンの効果— Small Animal Dermatology, 9, 60-65, 2013</u></p> <p>3 <u>Miyamoto K</u>. Ubiquitination of an artificial RING finger without a substrate and a tag: J. Peptide Sci., 18: 135-139, 2012</p> <p>4 <u>Miyamoto K</u> Creation of an artificial RING finger without a substrate and a tag: Peptide Science, 381-382, 2011</p> <p>5 <u>Miyamoto K</u>, NMR structure of LC4 transmembrane segment of CCR5: Protein Data Bank, 2RRS, 2011</p> <p>6 <u>Miyamoto K</u>, Togiya K. Solution structure of LC4 transmembrane segment of CCR5: PLoS One, 6: e20452, 2011</p> <p>7 <u>Miyamoto K</u>, Togiya K. The creation of the artificial RING finger from the cross-brace zinc finger by α-helical region substitution: Biochem. Biophys. Res. Commun., 394:972-975, 2010</p> <p>8 <u>Miyamoto K</u>, Togiya K, Kitahara R, Akasaka K, Kuroda Y. Solution structure of LC5, the CCR5-derived peptide for HIV-1 inhibition: J. Peptide Sci, 16: 165-170, 2010</p> <p>9 <u>Miyamoto K</u> The creation of the artificial ubiquitin-ligating (E3) enzyme by using the α-helical region substitution: Peptide Science, 218, 2010</p> <p>1 0 <u>宮本和英</u> 揺れ動くタンパク質構造の本質を明らかにする高圧NMR: ファルマシア,46: 170-171,2010</p> <p>1 1 <u>Miyamoto K</u> Artificial RING finger as ubiquitin-ligating enzyme (E3), SciTopics, Elsevier ,2010</p> <p>1 2 清原, 大西, 角山,木下, 中村, <u>宮本</u>, 矢上, 駒田 姫路獨協大学薬学部における早期体験実習前後の学生アンケート調査: 医薬品情報学, 10: 273-279, 2009.</p> <p>1 3 Abe H, <u>Miyamoto K</u>, Tochio N, Saito K, Sasagawa A, Koshiha S, Inoue M, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the first Phorbol esters/diacylglycerol binding domain of human Protein kinase C, delta: Protein Data Bank, 2YUU, 2008</p> <p>1 4 Abe H, <u>Miyamoto K</u>, Tochio N, Tomizawa T, Koshiha S, Harada T, Watanabe S, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the Ring finger of human Retinoblastoma-binding protein 6: Protein Data Bank, 2YUR, 2008</p>

1 5	Abe H, Tochio N, <u>Miyamoto K</u> , Koshihara S, Inoue M, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the HMG box of human Transcription factor SOX-17: Protein Data Bank, 2YUL, 2008
1 6	Ohnishi S, Kamatari YO, Tochio N, Nameki N, <u>Miyamoto K</u> , Li H, Kobayashi N, Koshihara S, Inoue M, Kigawa T, Yokoyama S. Solution Structure of the second Homeobox Domain of Human Homeodomain Leucine Zipper-Encoding Gene (Homez): Protein Data Bank, 2ECC, 2007
1 7	<u>Miyamoto K</u> , Kigawa T, Sato M, Koshihara S, Inoue M, Yokoyama S. Solution structure of the RING domain of the human Polycomb group RING finger protein 6:Protein Data Bank, 2DJB, 2007
1 8	<u>Miyamoto K</u> , Tomizawa T, Koshihara S, Watanabe S, Harada T, Kigawa T, Yokoyama S. Solution Structure of the RING domain of the human Cell growth regulator with RING finger domain 1 protein: Protein Data Bank, 2EA5, 2007
1 9	<u>Miyamoto K</u> , Yoneyama M, Tomizawa T, Koshihara S, Watanabe S, Harada T, Kigawa T, Yokoyama S. Solution Structure of the RING domain of the human ring finger protein 4: Protein Data Bank, 2EA6, 2007
2 0	<u>Miyamoto K</u> , Sato M, Koshihara S, Watanabe S, Harada T, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the RING domain of the human tripartite motif-containing protein 39:Protein Data Bank, 2ECJ, 2007
2 1	<u>Miyamoto K</u> , Tomizawa T, Koshihara S, Watanabe S, Harada T, Kigawa T, Yokoyama S. Solution Structure of the RING domain of the human RING-box protein 2: Protein Data Bank, 2ECL, 2007
2 2	<u>Miyamoto K</u> , Yoneyama M, Watanabe S, Harada T, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the RING domain of the RING finger and CHY zinc finger domain-containing protein 1 from Mus musculus: Protein Data Bank, 2ECM, 2007
2 3	<u>Miyamoto K</u> , Tochio N, Koshihara S, Watanabe S, Harada T, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the RING domain of the human RING finger protein 141: Protein Data Bank, 2ECN, 2007
2 4	Kasai T, <u>Miyamoto K</u> , Tochio N, Tomizawa T, Koshihara S, Watanabe S, Harada T, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the human STAP2 SH2 domain: Protein Data Bank, 2EL8, 2007
2 5	Abe H, Tochio N, <u>Miyamoto K</u> , Saito K, Koshihara S, Inoue M, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the Myb-like DNA-binding domain of human ZZZ3 protein: Protein Data Bank, 2YUM, 2007
2 6	Abe H, Tochio N, <u>Miyamoto K</u> , Koshihara S, Inoue M, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the SH3 domain of human Nostrin: Protein Data Bank, 2YUN, 2007
2 7	Abe H, Tochio N, <u>Miyamoto K</u> , Saito K, Sasagawa A, Koshihara S, Inoue M, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the SH3 domain of mouse RUN and TBC1 domain

	containing 3: Protein Data Bank, 2YUO, 2007
2 8	Abe H, Tochio N, <u>Miyamoto K</u> , Saito K, Sasagawa A, Koshiha S, Inoue M, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the second SH3 domain of human Vinexin: Protein Data Bank, 2YUP, 2007
2 9	Abe H, <u>Miyamoto K</u> , Tochio N, Sato M, Koshiha S, Watanabe S, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the SH3 domain of human Tyrosine-protein kinase ITK/TSK: Protein Data Bank, 2YUQ, 2007
3 0	Abe H, <u>Miyamoto K</u> , Tochio N, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the Zinc finger, C3HC4 type (RING finger) domain of RING finger protein 126: Protein Data Bank, 2ECT, 2008
3 1	Abe H, <u>Miyamoto K</u> , Tochio N, Saito K, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the Zinc finger, C3HC4 type (RING finger) domain of Tripartite motif-containing protein 5: Protein Data Bank, 2ECV, 2008
3 2	Abe H, <u>Miyamoto K</u> , Tochio N, Yoneyama M, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the Zinc finger, C3HC4 type (RING finger) domain Tripartite motif protein 30: Protein Data Bank, 2ECW, 2008
3 3	Abe H, <u>Miyamoto K</u> , Tochio N, Yoneyama M, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the Zinc finger, C3HC4 type (RING finger) domain of TNF receptor-associated factor 3: Protein Data Bank, 2ECY, 2008
3 4	Abe H, <u>Miyamoto K</u> , Tochio N, Saito K, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the SH3 domain of Sorbin and SH3 domain-containing protein 1: Protein Data Bank, 2ECZ (2008).
3 5	Abe H, Tochio N, <u>Miyamoto K</u> , Saito K, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the SH3 domain of Abl interactor 2 (Abelson interactor 2): Protein Data Bank, 2ED0, 2008
3 6	Abe H, Tochio N, <u>Miyamoto K</u> , Saito K, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the SH3 domain of 130 kDa phosphatidylinositol 4,5-biphosphate-dependent ARF1 GTPase-activating protein: Protein Data Bank, 2ED1, 2008
3 7	<u>Miyamoto K</u> , Sato M, Koshiha S, Watanabe S, Harada T, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the ring domain of the Baculoviral IAP repeat-protein 4 from Homo sapiens: Protein Data Bank, 2ECG, 2008
3 8	<u>Miyamoto K</u> , Sato M, Koshiha S, Watanabe S, Harada T, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the RING domain of the human TNF receptor associated factor 6 protein: Protein Data Bank, 2ECI, 2008
3 9	Abe H, Tochio N, <u>Miyamoto K</u> , Koshiha S, Harada T, Watanabe S, Kigawa T, Yokoyama S. Solution structure of the HMG box of human Myeloid/lymphoid or mixed- lineage leukemia protein 3 homolog: Protein Data Bank, 2YUK, 2008
	2006 年以前 5 1 報

著書	著書（2007年以降（個別）と以前（2006年までの合計）を分けて記載。）
(著書) 1	<p><u>Miyamoto K</u> Circular Dichroism Theory and Spectroscopy, Application of circular dichroism for short peptides as HIV-1 inhibitors, 344-350, Nova Science Publishers Inc., NY, 2011</p> <p>2006年以前 0報</p>

<p>学会発表等</p>	<ul style="list-style-type: none"> ・ 2007 年以降における招待講演演者やシンポジスト ・ 2007 年以降における国際学会（国内外での開催を問わない）のうち<u>発表者</u>であるもの（共同研究者の場合は除く） ・ 2007 年以降における<u>本学学生</u>が<u>発表者</u>となっている学会発表（学生が共同研究者の場合は除く）
<p>(招待講演)</p> <p>1</p> <p>2</p> <p>3</p> <p>4</p> <p>(シンポジスト)</p> <p>1</p>	<p>エレクトロニクス実装学会「第3回ナノバイオデバイス実装技術研究会」(姫路) NMR法を用いるタンパク質の構造解析の現状技術と今後の期待 2009年11月</p> <p>新産業創造研究機構研究会 (神戸) ユビキチン化検出による疾患診断法の開発 2011年12月</p> <p>兵庫県COEプログラム推進事業研究会 (姫路) 重篤疾患の病態解明・診断の迅速・簡易化を可能にするキットの開発 2012年9月</p> <p>兵庫県COEプログラム推進事業研究会 (姫路) 重篤疾患の病態解明・診断の迅速・簡易化を可能にするキットの開発 2014年2月</p> <p><u>Miyamoto K, Togiya K.</u> The creation of the artificial ubiquitin-ligating (E3) enzyme by using the alpha-helical region substitution, 5th International Peptide Symposium, 2010年, 京都国際会館</p>

助成金・特許	<ul style="list-style-type: none"> ・2007年以降に交付された競争的資金（研究助成金の名称と種別、課題、交付年度、代表者・分担者の別） ・2007年以降の特許
(競争的資金)	<p>1 産学協同研究助成、姫路市、人工的な酵素を利用した新規診断法の開発 平成22年度 研究代表者</p> <p>2 産学インキュベート事業、(財)新産業創造研究機構、重篤疾患に関わるユビキチン化機能を判定できるスクリーニングキットの開発 平成22年度 研究代表者</p> <p>3 研究成果最適展開支援プログラム(A-step) 探索タイプ、科学技術振興機構、生理活性反応測定装置を活用したユビキチン化の高感度検出法の開発、 平成22年度 研究代表者</p> <p>4 研究成果最適展開支援プログラム(A-step) 探索タイプ、科学技術振興機構、血清中のユビキチン化の高感度検出法の開発、平成23年度 研究代表者</p> <p>5 科学研究費補助金・若手研究(B)、日本学術振興会、尿におけるユビキチン化の新規高感度検出法、平成23-24年度 研究代表者</p> <p>6 サイエンスパートナーシッププロジェクト、科学技術振興機構、分子動態学、 平成23年度 研究分担者</p> <p>7 神戸医療・健康・福祉分野研究開発費補助、神戸市、シコニンを用いた新規動物用クリームの開発、平成23年度 研究分担者</p> <p>8 奨学寄附金、(株)三洋化成工業、ユビキチンによる、がん、アルツハイマーの新検査システムに関する研究、平成24年度 研究代表者</p> <p>9 研究支援金、(公財)ひょうご科学技術協会、ユビキチン化機能を利用する診断キットの開発、平成24-25年度 研究代表者</p> <p>10 兵庫県 COE プログラム推進事業（本格研究開発）、兵庫県、重篤疾患の病態解明・診断の迅速簡易化を可能にするキットの開発、平成24-25年度 研究代表者</p> <p>11 薬学系研究奨励、(公財)武田科学振興財団、人工的なユビキチンリガーゼを活用したユビキチン化の高感度検出法の開発、平成24年度 研究代表者</p> <p>12 ものづくり中小企業・小規模事業者試作開発等支援補助金、経済産業省、可溶化シコニン溶液を用いた新規化粧品材料・染色液の試作品作製・商品化、平成24年度 研究分担者</p> <p>13 科学研究費補助金・基盤C、日本学術振興会、白血病新規マーカーとしての血清ユビキチン測定の有用性の検討、平成25-27年度 分担研究者</p> <p>14 兵庫県科学技術振興助成金、(公財)兵庫県科学技術振興財団、重篤疾患の診断を迅速・簡易化できる試作品キットの実用試験、平成25年度 研究代表者</p> <p>15 文部科学省教育研究装置及び教育基盤・研究施設、薬学部棟1階共同機器室に設置するPCの購入、平成25年度 代表者</p> <p>16 科学研究費補助金・基盤C、日本学術振興会、ユビキチン化の高感度検出法の担癌</p>

<p>17</p> <p>(特許)</p> <p>1</p>	<p>マウスモデルでの有用性の検討、平成 26-28 年度 研究代表者</p> <p>ひょうご農商工連携ファンド事業、兵庫県、草木染原料の紫根の先端的な栽培方法の確立及び染色に適したシコニン溶液の開発、平成 26 年度 研究分担者</p> <p>E2 との選択的結合活性を有し標的タンパク質の必要なしにタンパク質のユビキチン化活性を示すタンパク質の提供、出願番号：特願 2009-249028、特開 2011-93838 、出願人：宮本和英，(株)行医研</p>
--------------------------------	---

社会活動	<p>2007年以降の社会における活動等（学会や公的機関の委員や役職など。ただし、学内や学園内の委員・役職などは除く）</p> <p>2007年以降のその他の社会活動（教育機関や公的機関における講演依頼など）</p>
<p>(社会活動)</p> <p>1</p> <p>2</p> <p>3</p> <p>4</p> <p>教育関連</p> <p>1</p> <p>2</p> <p>共用試験関連</p> <p>1</p> <p>2</p>	<p>(独)理化学研究所 放射光科学総合研究センター 客員研究員 平成20年～現在</p> <p>日本薬学会誌ファルマシア 編集委員 平成23年度～現在</p> <p>日本薬学会 薬学教育モデル・コアカリキュラム改訂委員 平成24年度～現在</p> <p>日本薬学会近畿支部 ポスター賞選考委員 平成24年度</p> <p>第54回認定実務実習指導薬剤師養成のためのワークショップ、兵庫医療大、タスクフォース、<u>宮本和英</u>、平成20年</p> <p>第18回認定実務実習指導薬剤師養成のためのワークショップ、神戸薬科大、タスクフォース、<u>宮本和英</u>、平成23年</p> <p>薬学共用試験 OSCE の外部評価者、兵庫医療大、神戸学院大、平成21年～毎年</p> <p>薬学共用試験 CBT の問題作成、平成21年度</p>

賞	2007年以降に受賞した賞
1	感謝状、薬学教育協議会・病院薬局実務実習近畿地区調整機構、平成20年度
2	感謝状、薬学教育協議会・病院薬局実務実習近畿地区調整機構、平成23年度
3	学術論文賞、コスモバイオ、平成24年度
4	薬学系研究奨励、(公財)武田科学振興財団、平成24年度
5	兵庫県中核研究拠点(COE)に採択、兵庫県知事、平成24年度
6	兵庫県科学技術振興助成、(公財)兵庫県科学技術振興財団(一般社団)兵庫県発明協会、平成25年度